



PAPILOMAVIRUS HUMANO

ESTUDIOS GENÓMICOS

DETECCIÓN DE 14 GENOTIPOS DEL VIRUS DEL PAPILOMA HUMANO DE ALTO RIESGO (PCR TIEMPO REAL) Y MARCADORES BIOTUMORALES ARNm E6/E7

INFORME DE RESULTADOS:

Identificación del paciente:

Muestra: vaginal

Número de referencia:

Tipo de estudio: MIA screening

Prescriptor:

Fecha de solicitud:

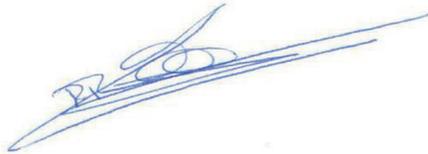
Centro:

Fecha de emisión:

PAPILOMA VIRUS HUMANO (HPV)

ADN (HPV 16)	ADN (HPV 18)	ADN (HPV 31, 33, 35, 39, 45, 51, 52, 56, 58, 59, 66 y/o 68)	CICLO DE CORTE (Ct)
NO DETECTADO	NO DETECTADO	NO DETECTADO	-
MARCADORES BIOTUMORALES ARNm (E6/E7) <small>Genotipos de VPH-AR (16, 18, 31, 33, 45, 52, 58)</small>			
NO SE EXPLORARON			

IMPORTANTE: El presente informe de resultados es fruto de un screening o cribado. En consecuencia, no recoge un diagnóstico, sino que únicamente informa de un índice o porcentaje de predisposición. Por dicho motivo, se sugiere que estos resultados sean correlacionados con otros estudios y/o guías locales para un diagnóstico clínico integral.



J. R. Ramírez García

PROCEDIMIENTOS

El “test HPV cobas 4800” es un procedimiento de *screening* para la determinación *cualitativa*, en muestras vaginales, de DNA de 14 tipos (especies) de HPV, con destacada capacidad oncogénica (HPVs de *alto riesgo*), de los que –de acuerdo a la agencia IARC– 12 son *carcinogénicos* (HPV 16, 18, 31, 33, 35, 39, 45, 51, 52, 56, 58 y 59) y 2 *probables/posibles carcinogénicos* (HPV 68 y 66). De ellos, es prestada una atención especial a HPV16 y HPV18, por su notable capacidad oncogénica (y amplio citotropismo; para detalles: <https://monographs.iarc.fr/wp-content/uploads/2018/06/mono100B-11.pdf>).

El test está basado en la amplificación específica mediante PCR de una región polimórfica del gen vírico L1, realizada en tres reacciones separadas, para HPV16, HPV18 y HPVs de *alto riesgo* (de los restantes 12 genotipos, sin distinguirlos: 31, 33, 35, 39, 45, 51, 52, 56, 58, 59, 66 y 68). Una descripción detallada de los fundamentos e indicaciones del test es dada en el documento de aprobación de la FDA (https://www.accessdata.fda.gov/cdrh_docs/pdf10/p100020s017c.pdf).

En las muestras positivas para VPH-AR se cuantifica el nivel de expresión del ARNm de los marcadores tumorales E6/E7 para siete genotipos de VPH-AR (16, 18, 31, 33, 45, 52, 58) mediante la técnica PreTect HPV-Proofer.